

Plantilla de informes

Fecha de publicación del protocolo: diciembre de 2022

Seleccione una sola respuesta a menos que se indique lo contrario.

RESUMEN DEL CASO: (Plantilla de informe de biomarcadores GIST)

La cumplimentación de la plantilla es responsabilidad del laboratorio que realiza las pruebas de biomarcadores y/o proporciona la interpretación. Cuando tanto las pruebas como la interpretación se realizan en otro lugar (p. ej., un laboratorio de referencia), también se recomienda el informe sinóptico de los resultados por parte del laboratorio que envía el tejido para su análisis para garantizar que toda la información se incluya en la historia clínica del paciente y, por lo tanto, esté fácilmente disponible para el equipo clínico tratante.

El tipo de fijador, el tiempo hasta la fijación (tiempo de isquemia fría) y el tiempo de fijación deben informarse, si corresponde, en esta plantilla o en el informe de patología original.

Los nombres de los genes deben seguir las recomendaciones del Comité de Nomenclatura de la Organización del Genoma Humano (HUGO) (www.genenames.org; consultado el 18 de octubre de 2022). (Nota [A](#))

Todas las variaciones de secuencia génica reportadas deben identificarse siguiendo las recomendaciones de la Sociedad de Variación del Genoma Humano (www.hgvs.org/mutnomen/; consultado el 18 de octubre de 2022). (Nota [A](#))

PRUEBAS DE BIOMARCADORES GIST

Estudios inmunohistoquímicos (Nota [B](#))

+KIT (CD117)

☐ Positivo

☐ Negativo

+DOG1 (AÑO1)

☐ Positivo

☐ Negativo

+SDHA

☐ Intacto

☐ Deficiente

+SDHB

☐ Intacto

☐ Deficiente

Otros estudios de IHC

+Nombre de la prueba (repita esta pregunta según sea necesario): _____

☐ Positivo

☐ Negativo

☐ Otro (especifique): _____

Estudios de genética molecular (Nota [C](#))

+KIT Análisis mutacional (Nota [D](#))

☐ No se ha detectado ninguna mutación

☐ Mutación identificada (especifique): _____

☐ No se puede determinar (explique): _____

+KIT Exones Evaluados (Nota [D](#)) (seleccione todos los que correspondan)

☐ Exón 9

☐ Exón 11

☐ Exón 13

☐ Exón 14

☐ Exón 17

☐ Otro (especifique): _____

+Análisis mutacional de PDGFRA (Nota E)

- ☐ No se ha detectado ninguna mutación
☐ Mutación identificada (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

+Exones PDGFRA evaluados (Nota E) (seleccione todos los que correspondan)

- ☐ Exón 12
☐ Exón 14
☐ Exón 18
☐ Otro (especifique): _____

+SDH A / B / C / D Análisis mutacional (Nota G)

- ☐ No se ha detectado ninguna mutación
☐ Mutación identificada (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

+Análisis mutacional NF1 (Nota H)

- ☐ No se ha detectado ninguna mutación
☐ Mutación identificada (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

+Análisis mutacional BRAF (Nota E) (seleccione todas las que correspondan)

- ☐ No se ha detectado ninguna mutación en BRAF
☐ Mutación BRAF V600E (c.1799T>A, exón 15)
☐ Otra mutación BRAF (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

+Análisis de genes de fusión BRAF (Nota I)

- ☐ No se ha detectado ninguna fusión
☐ Fusión identificada (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

+FGFR1 Análisis de genes de fusión (Nota I)

- ☐ No se ha detectado ninguna fusión
☐ Fusión identificada (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

Otros análisis mutacionales de genes

+Nombre de la mutación (repita esta pregunta según sea necesario): _____

- ☐ No se ha detectado ninguna mutación
☐ Mutación identificada (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

Análisis de otros eventos de genes de fusión

+Nombre de fusión (repita esta pregunta según sea necesario): _____

- ☐ No se ha detectado ninguna fusión
☐ Fusión identificada (especifique): _____
☐ No se puede determinar (explique): _____

COMENTARIOS

Comentario(s): _____